

**Table S10 Average  $F_{st}$  and proportion of loci with  $F_{st}$  significant at the 5% probability level in wild vs. landrace and in landrace vs. North American cultivar populations in the 20 chromosomes**

Chr	$F_{st}$ wild vs. landrace	Standard deviation of $F_{st}$ wild vs. landrace	$F_{st}$ landrace vs. N. Am.	Standard deviation of $F_{st}$ landrace vs. N. Am.	Proportion of loci with $F_{st}$ significant at the 5% level wild vs. landrace (%)	Proportion of loci with $F_{st}$ significant at the 5% level landrace vs. N. Am. (%)
Gm01	0.257	0.252	0.100	0.140	7.79	5.25
Gm02	0.229	0.229	0.079	0.116	5.36	3.86
Gm03	0.194	0.229	0.106	0.131	5.51	4.74
Gm04	0.225	0.233	0.115	0.186	4.98	8.52
Gm05	0.261	0.278	0.060	0.096	10.54	2.21
Gm06	0.221	0.234	0.151	0.192	4.96	13.09
Gm07	0.224	0.239	0.074	0.107	6.49	1.74
Gm08	0.248	0.245	0.119	0.157	6.53	9.40
Gm09	0.213	0.222	0.097	0.132	4.43	4.05
Gm10	0.252	0.251	0.111	0.147	7.10	6.20
Gm11	0.274	0.256	0.089	0.131	8.93	4.33
Gm12	0.315	0.291	0.127	0.187	14.05	10.82
Gm13	0.224	0.244	0.126	0.171	6.70	9.93
Gm14	0.232	0.239	0.086	0.106	6.87	1.93
Gm15	0.211	0.218	0.080	0.101	3.41	2.63
Gm16	0.171	0.202	0.140	0.178	3.18	12.48
Gm17	0.203	0.221	0.095	0.119	3.99	3.84
Gm18	0.174	0.189	0.075	0.121	1.59	3.54
Gm19	0.269	0.259	0.157	0.170	8.85	11.86
Gm20	0.257	0.272	0.098	0.142	10.32	4.71
<b>Mean</b>	<b>0.230</b>	<b>0.242</b>	<b>0.110</b>	<b>0.147</b>	<b>6.579</b>	<b>6.257</b>