

Table S4. Primers used for qPCR analysis

Species	Locus	Sequence
<i>C. albicans</i>	rDNA 1	TGGCAGTCAAGCGTTCATAG
	rDNA 1	CAGCCGCAAAAACCAATTAT
	rDNA 2	GCACTCGGTCACCTTGACAC
	rDNA 2	GGCCGAAGTTAACCTGTTGC
	rDNA 3	GGGGTTGGGTGGAAATAAGG
	rDNA 3	CAACCACCAACCACCAACC
	rDNA 4	CTGGGGATAGACGTTTATGG
	rDNA 4	GTGACTAGCATCAGCTAGTG
	rDNA 5	GTGGTCTGTTTTAAGTTGTTTTGTGTAG
	rDNA 5	CAATTAGATGGCAGTGTTTTCGTTAAAG
	rDNA 6	GAGAATACTAGTAATTTTTGTATGTGTGCAC
	rDNA 6	CCATACAAAAAATTACTATGTATTCTCACACAC
	rDNA 7	GGGTTCGATTACCCTTGGTTC
	rDNA 7	GTTCCCGTTCGATCAACC
	rDNA 8	CACCAGTGGTGTACACAGCC
	rDNA 8	CCAGGCATAATTGTGGTTGCC
	rDNA 9	GTGGGTCACGTGCATTTAATTAGG
	rDNA 9	GTAGCGATGAGGACGTGTAG
	orf19.2926 / orf19.2927	GTGGTGGCCGTTTATAAGTGTG
	orf19.2926 / orf19.2927	GACCCACCTTACTACTAC
Subtelomere 3L	GAGCCACACAGATTTCGACAG	
Subtelomere 3L	CAATCACGGATGGCTAGACAG	
Subtelomere 3R	GGAGAAGAAGCTGGAGAGTAC	
Subtelomere 3R	GTGTCCCAGTCACACTCAAG	
<i>C. parapsilosis</i>	rDNA 1	CTGTTTCCGGTGGTGTGCG
	rDNA 1	GCCATGTAAACCCTGGG
	rDNA 2	CGTGGCCTTAAACAACCTGG
	rDNA 2	GCGAATTTTCTCCTGGGG
	rDNA 3	GGAGGTAGGTTGTCGTGACG
	rDNA 3	GATATGTGCGACCACTCTCC
	rDNA 4	CCATACGCGAAACTCTCG
	rDNA 4	CGACTCTGAGCATCCACC
	rDNA 5	GGCTTACCCCTGTTG
	rDNA 5	CGTTGCCAGGGTTGAGTG
	PRI2	CTTGCCCTTGCTCAACC
	PRI2	CCCAATTGTTGACGTCCC
Subtelomere 006372L 1	GTGGCACTCAAACCAACC	

Subtelomere 006372L 1

CAATACCCGTGCTGCCTC

Subtelomere 006372L 2

CCGCGACAACGACTTGTC

Subtelomere 006372L 2

CCACTACACCAATCGTCC
