

**Table S3 Additional deficiencies tested for *endos*<sup>00003</sup>-interacting genomic regions with lethality phenotype**

Deficiency <sup>a</sup>	Deleted segment <sup>b</sup>	Likely location of interacting gene
<b><i>Df(2R)Kr10<sup>c</sup></i></b>	60E10—60F5	60F1—60F5
<i>Df(2R)M60E</i>	60E6—60E11	
<i>Df(2R)gsb</i>	60E9—60F1	
<b><i>Df(2R)ED50004</i></b>	60F5	
<b><i>Df(3L)h-i22<sup>c</sup></i></b>	66D10—66E2	66D12
<i>Df(3L)ED4414</i>	66D12—66E6	
<b><i>Df(3L)ED4421</i></b>	66D12—67B3	
<i>Df(3L)ED4416</i>	66E1—67B1	
<i>Df(3L)Scf-R11</i>	66E3—66F2	
<b><i>Df(3L)st-f13<sup>c</sup></i></b>	72C1—73A4	72D1—72D4
<b><i>Df(3L)st-g24</i></b>	72D1—73A10	
<i>Df(3L)4606</i>	72D4—73C4	
<i>Df(3L)st-b11</i>	72D10—73D2	
<i>Df(3L)ED223</i>	73A1—73D5	
<i>Df(3L)81k19</i>	73A3—74F4	
<b><i>Tp(3;Y)ry506-85C</i></b>	87D1—88E6	88D1
<i>Df(3R)ry615</i>	87B10—87E8	
<i>Df(3R)ry85</i>	87B15—88A1	
<i>Df(3R)ED5612</i>	87C7—87F6	
<i>Df(3R)ED5623</i>	87E3—88A4	
<b><i>Df(3R)MRS</i></b>	87E8—93C	
<i>Df(3R)ED5642</i>	87F10—88C2	
<i>Df(3R)ED5644</i>	88A4—88C9	
<i>Df(3R)red1</i>	88A2—88D1	
<i>Df(3R)ea</i>	88E7—89A1	
<i>Df(3R)ED5664</i>	88D1—88E3	
<b><i>Df(3R)Exel6275</i></b>	88D1—88D7	
<i>Df(3R)BSC635</i>	88D2—88E3	
<i>Df(3R)Exel6172</i>	88D5—88D7	
<i>Df(3R)Exel6173</i>	88D7—88E1	
<i>Df(3R)ED10566</i>	88D6—88E1	
<i>Df(3R)BSC750</i>	88E2—88E5	
<b><i>Df(3R)e-R1<sup>c</sup></i></b>	93B6—93D4	93C1—93D4
<b><i>Df(3R)ED10838</i></b>	93C1—93D4	
<i>Df(3R)ED6058</i>	93D4—93F6	

- <sup>a</sup> Deficiencies in bold-type result in lethality when *in trans* to *endos*<sup>00003</sup>; other deficiencies show no genetic interaction with *endos*<sup>00003</sup>.
- <sup>b</sup> Deleted genomic region represented according to polytene chromosome divisions (<http://flybase.org>).
- <sup>c</sup> Deficiencies used in the original deficiency screen for *endos*<sup>00003</sup> enhancers.